antagene

Bilan Génétique

Santé & Reproduction

Animal : Sting La Tribu de Dana

N° d'identification : **250 268 743 742 835**
Race : **Altdeutsche Schäferhunde**
Sexe : **Mâle**
Date de naissance : **27/01/2021**

Propriétaire : **Christine BAPTISSART**
N° de prélèvement : **E00815357** (prélevé le 01/08/2022)
Code résultat : **A00008250**
Prélèvement effectué par :
Julien ISSARD (Vétérinaire - N° d'ordre : 32313)

Résultat établi le : 01/09/2022
Document établi le : 01/09/2022

CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES

	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT
Locus A - Agouti			
a	ASIP c.286C>T	Autosomique récessif	a"/a"
A^y	ASIP c.244G>T/248G>A	Autosomique dominant	a"/a"
Locus B - Marron			
b^a	TYRP1 c.555T>G	Autosomique récessif	B/B
b^c	TYRP1 c.121T>A	Autosomique récessif	B/B
b^d	TYRP1 c.1033_1035del	Autosomique récessif	B/B
b^e	TYRP1 c.1025T>G	Autosomique récessif	B/B
b^s	TYRP1 c.991C>T	Autosomique récessif	B/B
Locus D - Dilution			
d	MLPH c.-22G>A	Autosomique récessif	D/D
d^2	MLPH c.705G>C	Autosomique récessif	D/D
d^3	MLPH c.667_668insC	Autosomique récessif	D/D
Locus E - Extension			
e	MC1R c.916C>T	Autosomique récessif	E/E
e^2	MC1R g.63695679C>G	Autosomique récessif	E/E
e^3	MC1R c.816_817delCT	Autosomique récessif	E/E
E^m	MC1R c.790A>G	Autosomique dominant	E^m/E
Locus I - Intensité (i)	MFSD12 c.151C>T	Autosomique récessif	Intensité forte à modérée (I/I)
Locus K - Noir Dominant (K^y)	CBD103 c.231_233del	Autosomique dominant	Non exprimé (k^y/k^y)
Poil Bouclé ou Ondulé (c^1)	KRT71 c.451C>T	Autosomique dominant	Non porteur (C/C)
Polydactylie	LMBR1 DC-2	Autosomique dominant	Non porteur
Shedding	MC5R g.24430748C>T	Autosomique codominant	Chute de poils abondante

Laboratoire ANTAGENE — Le spécialiste des analyses génétiques chez les animaux
6 allée du Levant • CS 60001 • 69890 La Tour de Salvagny • FRANCE
+33 (0)4 37 49 90 03 • contact@antagene.com • www.antagene.com

antagene

Bilan Génétique

Santé & Reproduction

Animal : Sting La Tribu de Dana

N° d'identification : **250 268 743 742 835**
Race : **Altdeutsche Schäferhunde**
Sexe : **Mâle**
Date de naissance : **27/01/2021**

Propriétaire : **Christine BAPTISSART**
N° de prélèvement : **E00815357** (prélevé le 01/08/2022)
Code résultat : **A00008250**
Prélèvement effectué par :
Julien ISSARD (Vétérinaire - N° d'ordre : 32313)

Résultat établi le : 01/09/2022
Document établi le : 01/09/2022

MALADIES

	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Myélopathie Dégénérative (DM)	SOD1 c.118G>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Nanisme Hypophysaire	LHX3 7pb del intron 5	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Hyperuricosurie (HUU)	SLC2A9 c.616G>T	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse (MDR1)	MDR1 c.227_230delATAG	Autosomique codominant	Homozygote normal	✓	✓

EXPLICATIONS
Homozygote normal : l'animal possède 2 copies normales du gène.
Hétérozygote : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.
Homozygote muté : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.

	EXPRESSION	TRANSMISSION
✓	L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
!	L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.

Laboratoire ANTAGENE — Le spécialiste des analyses génétiques chez les animaux
6 allée du Levant • CS 60001 • 69890 La Tour de Salvagny • FRANCE
+33 (0)4 37 49 90 03 • contact@antagene.com • www.antagene.com